

# Rapport sur les tendances du séquençage des eaux usées : La Détection des variantes préoccupants du SRAS-CoV-2 par séquençage métagénomique



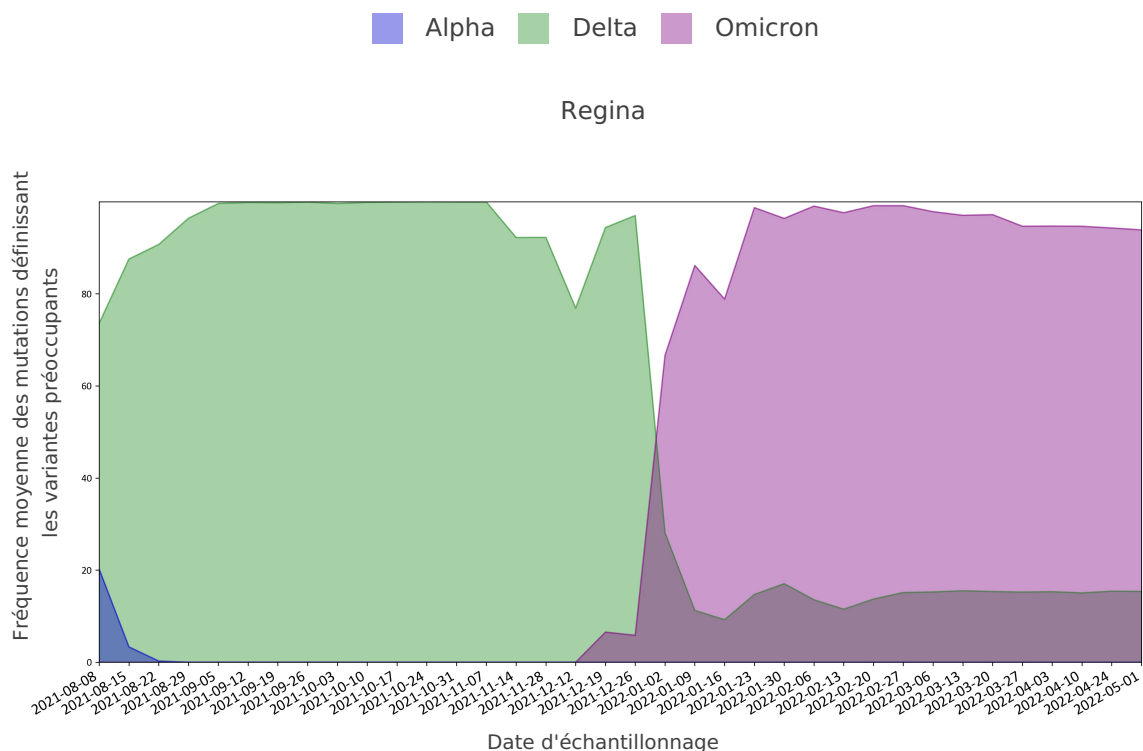
Public Health  
Agency of Canada

Agence de la santé  
publique du Canada

## Données de séquençage longitudinal des eaux usées se terminant le 2022-05-01

Les graphiques montrent le pourcentage de trois variantes préoccupantes du SRAS-CoV-2 (Alpha, Delta et Omicron) détectées dans des échantillons d'eaux usées prélevés à des sites différents à l'aide du séquençage métagénomique. Les fragments viraux du SRAS-CoV-2 présents dans les eaux usées sont isolés et séquencés pour obtenir un « modèle (plan) » génomique du virus. Chaque variante préoccupante présente de petites différences dans leur empreinte génomique appelées mutations qui peuvent être interrogées à l'aide d'un logiciel spécialisé pour identifier la présence et l'abondance d'Alpha, de Delta et d'Omicron dans l'échantillon d'eau usée. Les zones ombrées du graphique montrent Delta en vert, Omicron en violet et, le cas échéant, Alpha en bleu.

## Regina



Le graphique montre une présence élevée de Delta jusqu'à la mi-décembre, suivie d'une diminution rapide. Cette diminution de Delta a coïncidé avec l'émergence et l'augmentation rapide d'Omicron. Omicron a été détecté pour la première fois dans des échantillons d'eaux usées prélevés sur ce site le 13 décembre. Le signal Omicron a rapidement augmenté et les échantillons d'eaux usées de ce site affichent une présence élevée et soutenue d'Omicron