

Rapport sur les tendances du séquençage des eaux usées : La Détection des variantes préoccupants du SRAS-CoV-2 par séquençage métagénomique



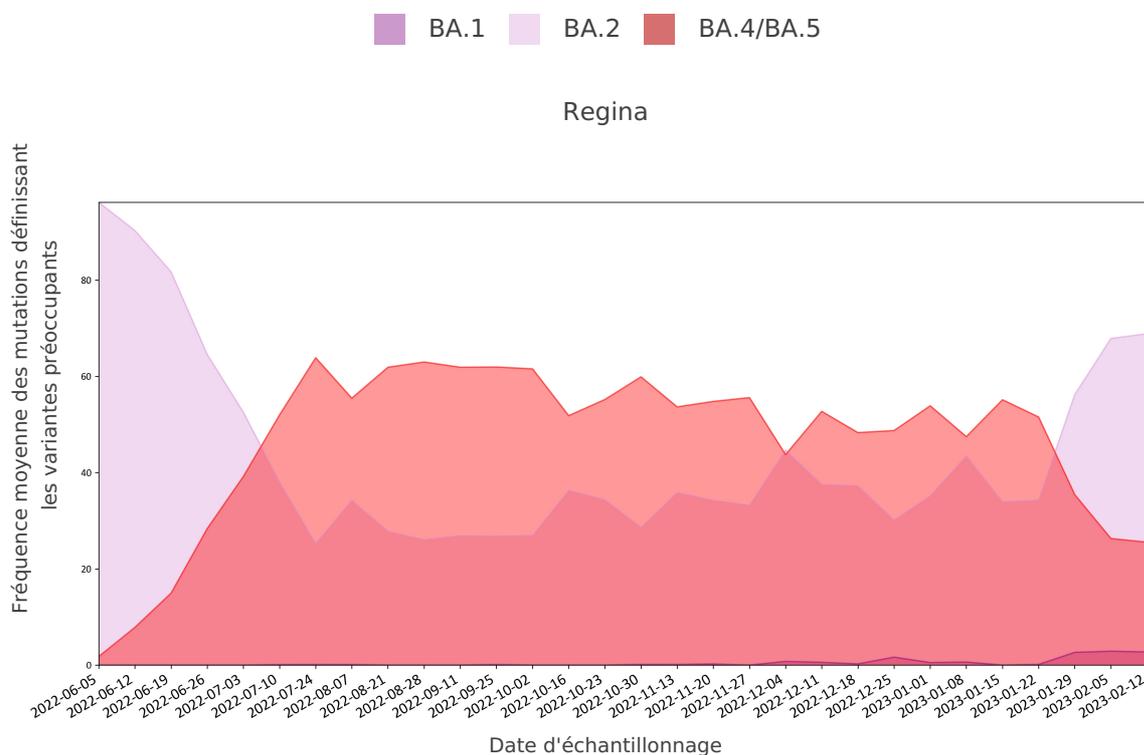
Public Health
Agency of Canada

Agence de la santé
publique du Canada

Données de séquençage longitudinal des eaux usées se terminant le 2023-02-21

Les graphiques montrent le pourcentage du variante Omicron et ses sous-lignées (BA.1, BA.2 et BA.4/BA.5), variantes de préoccupation SRAS-CoV-2 (sous-lignées Omicron) dtectées en échantillons d'eaux usées prélevés a des sites différents a l'aide de séquence métagénomique. Les fragments viraux du SRAS-CoV-2 présents dans les eaux usées sont isolés et séquencés pour obtenir un « plan » génomique du virus. Chaque sous-lignage présente de petites différences dans leur empreinte génomique appelées mutations qui peuvent être interrogées à l'aide d'un logiciel spécialisé pour identifier leur présence ainsi que leur abondance (BA.1, BA.2 et BA.4 ou BA.5) dans les échantillons d'eaux usées. Les zones ombrées du graphique démontrent BA.1 en violet foncé, BA.2 en violet clair et BA.4 ou BA.5 en rouge. Pour corriger pour l'ascendance partagée des lignées de SRAS-CoV-2 BA.2 et BA.4/BA.5, la fréquence moyenne des mutations définissant la variante préoccupant pour BA.4/BA.5 ont été soustraites de BA.2.

Regina



Les niveaux de BA.2 ont rapidement augmenté et sont restés élevés dans les échantillons prélevés jusqu'au 11 septembre 2022. Des traces de BA.4/BA.5 ont été détectées pour la première fois au début du mois de mai 2022 et des signaux élevés sont détectés dans les échantillons prélevés jusqu'au 12 février 2023.